

# CWseq<sup>®</sup> mRNA 文库构建解决方案

## 产品简介

CWseq<sup>®</sup> mRNA文库构建解决方案, 此方案操作步骤简洁, 可在4小时内获取普通mRNA文库或链特异性mRNA文库。首先CWseq<sup>®</sup> mRNA捕获试剂盒通过偶联Oligo d(T)的顺磁性微球与带polyA尾的mRNA结合, 从纯化后的总RNA中有效分离mRNA, 再搭配CWseq<sup>®</sup> mRNA文库构建试剂盒构建高丰度基因文库, 即使是低起始量样本, 也可实现卓越的检测灵敏度。

## 应用方向

基因表达分析; 融合基因检测; 可变剪切分析; 目标转录组分析; 单核苷酸变异分析等。

## 产品优势



### 操作简单

从mRNA捕获到mRNA文库构建完成, 整个流程仅需**4小时左右**;



### 性能优异

文库构建起始量范围广, **低起始量样本** (2.5ng) 建库可得高丰度基因文库并提高基因检测灵敏度;



### 核心原料

使用专门为RNA测序设计的一款**新型逆转录酶**进行文库构建, 提高成功率并改善文库质量。

## 性能展示

### 制备高质量文库

将提取后的总RNA，按一定比例稀释后分别使用2.5ng、10ng和1ug进行康为世纪、竞品A和竞品B的mRNA文库构建，数据分析结果如下：

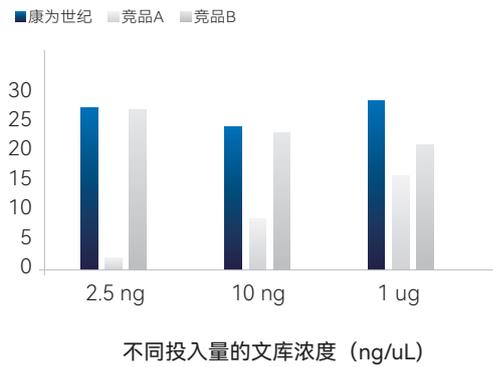


图1 不同起始量的模板样本使用不同品牌建库后的文库浓度

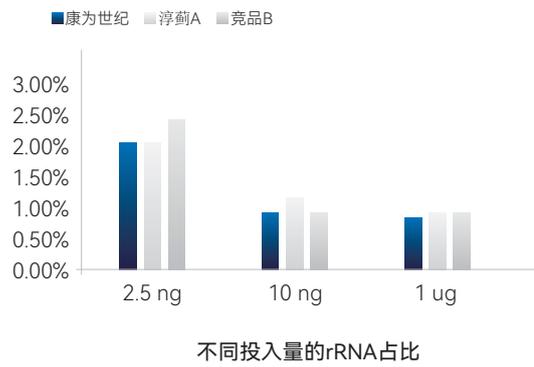


图2 不同起始量的模板样本使用不同品牌建库后的rRNA占比数据

通过以上数据，结果表明：无论是哪个起始量，与竞品相比，康为世纪的mRNA文库构建解决方案文库产量更高，rRNA残留更低，能有效提高文库构建成功率并获得更高的文库质量。

### 基因检出数目多

文库构建成功率受起始量影响，因此低起始量RNA文库构建的研究有较大难度。康为世纪mRNA文库构建解决方案适用于低起始量样本的研究，产出文库mRNA占比更高，可提高基因的检出率，结果如下所示：

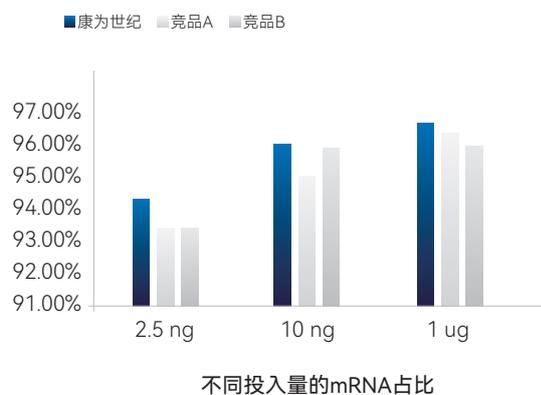


图3 不同起始量的模板样本使用不同品牌建库后的mRNA占比数据

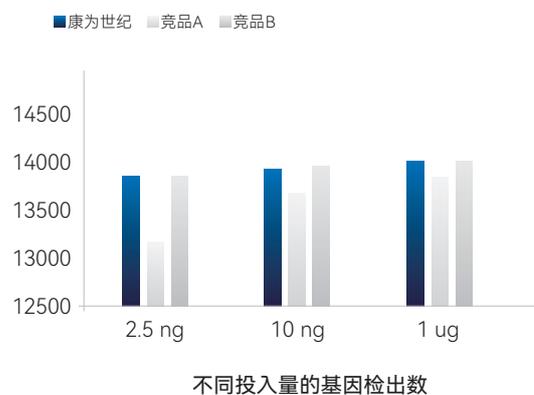


图4 不同起始量的模板样本使用不同品牌建库后的基因检出数目

通过以上数据，结果表明：与竞品相比，在相同的模板投入量情况下，康为世纪mRNA文库构建解决方案提高了低起始量样本文库丰度及基因检出率，可以检测到更多的专属基因（至少有5条特有的测序数据）。

## 基因覆盖度全面

转录本的均一性覆盖对于选择性剪接、异构体分析等至关重要。康为世纪mRNA解决方案对于不同起始量样本均可提供均一性的文库，且利用特定的文库扩增酶可改善高GC区的覆盖均一性，结果如下：

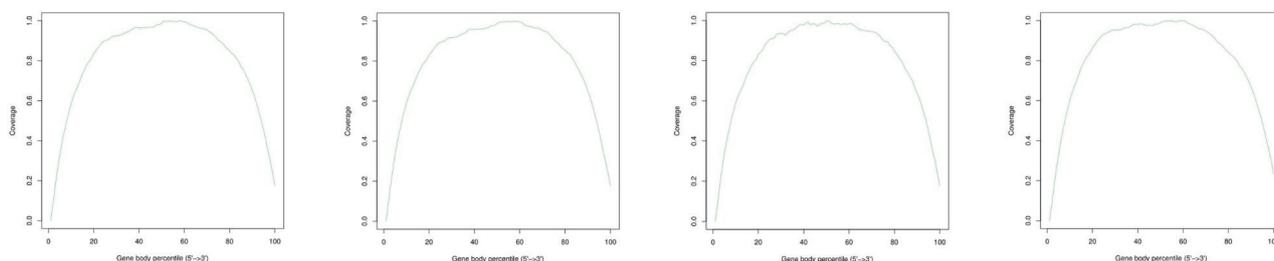


图5 使用康为世纪mRNA建库解决方案建库后部分样本的数据均一性

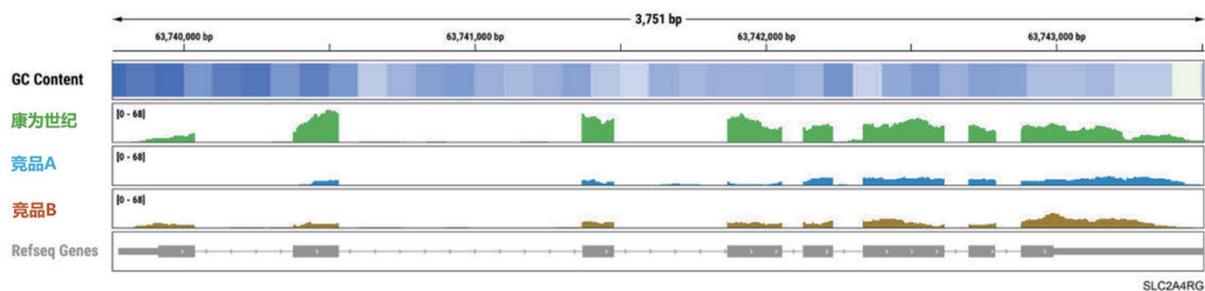


图6 不同品牌的mRNA解决方案对SLC2A4RG的覆盖度

通过以上数据，结果表明：康为世纪mRNA解决方案对于不同样本均可从5'到3'端有很好的覆盖度，且使用不同品牌mRNA解决方案分别进行RNA文库构建和测序后，与竞品相比，康为世纪mRNA解决方案可以实现SLC2A4RG基因更大范围覆盖，包括高GC区域。

## 产品信息

产品名称	目录号	规格
CWseq® mRNA Capture Kit 2.0	CW3090S	24rxns
	CW3090M	96rxns
CWseq® Universal RNA-seq Library Prep Kit 2.0	CW3094S	24rxns
	CW3094M	96rxns

## 官方商城注册送积分

### 步骤1 关注公众号

“康为世纪生物”公众号



### 步骤2 官网进入商城

点击左下角“官网”



### 步骤3 点击我的

点击右下角“我的”



### 步骤4 点击头像

点击左上角头像，跳出登录界面



### 步骤5 注册账号

自动弹出登录界面  
点击“立即注册”填写信息



### 步骤6 注册成功享积分

注册成功立享1000积分



### 步骤7 点击积分商城

登录后点击右下角“我的”  
进入“积分商城”



### 步骤8 积分及兑换

“积分商城”可查看  
积分及兑换



4006-222-360 (免费电话)  
service@cwbiotech.com  
www.cwbio.com



让每一个生命健康有为  
上海证券交易所上市公司 (688426.SH)